

**Postadresse und Probenversand:**

Heinrich-Düker-Weg 12  
37073 Göttingen

**Kontakt:**

Molekulargenetik      Tel.: 0551 / 39-69019      Fax: 0551 / 39-69303

E-Mail: silke.kaufuss@med.uni-goettingen.de

**Untersuchungsauftrag Molekulargenetik  
- Kraniosynostosen -**

Patient
Krankenkasse:
Name: _____
Vorname: _____
Geb.-Dat.: _____
Anschrift: _____ (Straße, Hausnummer)
_____
(PLZ, Wohnort)
Geschlecht: <input type="checkbox"/> männlich (m) <input type="checkbox"/> weiblich (w) <input type="checkbox"/> divers (d) <input type="checkbox"/> unbestimmt (x)
Schwangerschaft: <input type="checkbox"/> ja <input type="checkbox"/> nein
SSW / Letzte Regel am: _____
<input type="checkbox"/> Ambulant ( <b>Überweisungsschein <u>Muster 10</u></b> )
<input type="checkbox"/> Stationär <input type="checkbox"/> Privat
<b>Eine pränatale Diagnostik ist für einige der aufgeführten Erkrankungen möglich. Telefonische Terminvereinbarung bei Schwangerschaft und pränataler Diagnostik erforderlich!</b>

Einsender
(Stempel)
Name Arzt: _____ (in Druckbuchstaben)

Untersuchungsmaterial
<input type="checkbox"/> EDTA-Blut (ca. 7,5 ml, EDTA-Monovette) Neugeborene / Kleinkinder (ca. 1 ml EDTA-Blut)
<input type="checkbox"/> DNA
<input type="checkbox"/> Sonstiges: _____
<b>Bitte achten Sie auf die sorgfältige Beschriftung der entnommenen Proben (Name, Geburtsdatum)!</b>
Geeignetes Versandmaterial für den Versand der Proben mit der Post können Sie unter 0551 / 39-67591 anfordern.

**Indikation / Angaben zur Familie / ggf. Stammbaum:**

Insbesondere Angaben zu ähnlichen Erkrankungen, Fehl-/Totgeburten, geistige oder körperliche Behinderung, Stoffwechselkrankheiten

**Bitte fügen Sie Kopien der Ihnen vorliegenden Arztbriefe und / oder Befunde dem Untersuchungsauftrag mit bei.**

**Einwilligung des Patienten**

- Eine vollständig ausgefüllte und unterschriebene Einwilligungserklärung liegt dem Untersuchungsauftrag bei (auch als Kopie möglich; Vorlage verfügbar unter: [www.humangenetik-umg.de](http://www.humangenetik-umg.de)).
- Eine vollständige und im Sinne des GenDG gültige Einwilligungserklärung liegt bei uns vor (überschüssiges Probenmaterial nach Abschluss der Untersuchung vernichten?  ja  nein).

**Hinweis: Ohne Einwilligungserklärung des Patienten darf mit der Untersuchung nicht begonnen werden!**

\_\_\_\_\_  
(Datum)

\_\_\_\_\_  
(Name Arzt in Druckbuchstaben)

\_\_\_\_\_  
(Unterschrift Arzt)

Patientenname: \_\_\_\_\_ Geb.-Dat.: \_\_\_\_\_

Bitte die gewünschte Untersuchung ankreuzen

**Ziel der Untersuchung**

Bitte fügen Sie Kopien der molekulargenetischen Befunde bei.

- Differentialdiagnostische Untersuchung  
Familiäre Mutation bekannt  ja<sup>[1]</sup>  nein

Mutation: \_\_\_\_\_  
(Gen) (Position)

- Prädiktive Diagnostik (nach genetischer Beratung, GenDG, §7 I)

Mutation: \_\_\_\_\_  
(Gen) (Position)

- Testung auf Anlageträgerschaft<sup>[1]</sup>  
(rezessive Erkrankungen)

Mutation: \_\_\_\_\_  
(Gen) (Position)

- Wurde in den letzten 12 Monaten eine Panel-Diagnostik nach EBM 11.4.3 GOP11513 durchgeführt?

ja  nein Wo? \_\_\_\_\_

ID	Kraniosynostosen (CRAN)
<input type="checkbox"/> CRAN-1	<b>Gen-Panel<sup>[2]</sup></b> der folgenden <b>7 krankheitsassoziierten Gene</b> (21,8 kb): <i>FGFR1<sup>+</sup>, FGFR2, FGFR3, GLI3, MEGF8, RAB23, TWIST1</i>  *einschließlich MLPA
<input type="checkbox"/> CRAN-2	<b>Erweitertes Gen-Panel<sup>[3]</sup></b> (Nur nach Genehmigung der Kostenübernahme durch den Versicherer. Sie können uns eine Vollmacht zur Antragstellung erteilen (siehe Anlage). <b>22 Gene;</b> 60,0 kb): <i>ADAMTS10, ALX1, ALX3, ALX4, CD96, EFNB1, ERF, IFT122, IFT43, IL11RA, LRP2, MN1, P4HB, POR, RECQL4, RUNX2, SEC24D, SKI, SMO, WDR19, WDR35, ZIC1</i>
<input type="checkbox"/> CRAN-3	<b>Gesamt-Diagnostik<sup>[3]</sup></b> (Nur nach Genehmigung der Kostenübernahme durch den Versicherer. Sie können uns eine Vollmacht zur Antragstellung erteilen (siehe Anlage). Insgesamt <b>29 Gene</b> aus CRAN-1 und CRAN-2; 81,8 kb).

ID	Apert-Syndrom (AS)
<input type="checkbox"/> AS-1	<b>Gen-Panel<sup>[2]</sup></b> der folgenden <b>7 krankheitsassoziierten Gene</b> (21,8 kb): <i>FGFR2, FGFR1<sup>+</sup>, FGFR3, GLI3, MEGF8, RAB23, TWIST1</i>  *einschließlich MLPA

ID	Beare-Stevenson Cutis Gyrata-Syndrom (BSTVS)
<input type="checkbox"/> BSTVS-1	<b>Gen-Panel<sup>[2]</sup></b> der folgenden <b>7 krankheitsassoziierten Gene</b> (21,8 kb): <i>FGFR2, FGFR1<sup>+</sup>, FGFR3, GLI3, MEGF8, RAB23, TWIST1</i>  *einschließlich MLPA

ID	Carpenter-Syndrom (CRPT)
<input type="checkbox"/> CRPT-1	<b>Gen-Panel<sup>[2]</sup></b> der folgenden <b>7 krankheitsassoziierten Gene</b> (21,8 kb): <i>MEGF8, RAB23, FGFR1<sup>+</sup>, FGFR2, FGFR3, GLI3, TWIST1</i>  *einschließlich MLPA

ID	Crouzon-Syndrom (CS)
<input type="checkbox"/> CS-1	<b>Gen-Panel<sup>[2]</sup></b> der folgenden <b>7 krankheitsassoziierten Gene</b> (21,8 kb): <i>FGFR2, FGFR1<sup>+</sup>, FGFR3, GLI3, MEGF8, RAB23, TWIST1</i>  *einschließlich MLPA

ID	Greig-Zephalosyndakylie-Syndrom (GCPS)
<input type="checkbox"/> GCPS-1	<b>Gen-Panel<sup>[2]</sup></b> der folgenden <b>7 krankheitsassoziierten Gene</b> (21,8 kb): <i>GLI3, FGFR1<sup>+</sup>, FGFR2, FGFR3, MEGF8, RAB23, TWIST1</i>  *einschließlich MLPA

ID	Jackson-Weiss Syndrom (JWS)
<input type="checkbox"/> JWS-1	<b>Gen-Panel<sup>[2]</sup></b> der folgenden <b>7 krankheitsassoziierten Gene</b> (21,8 kb): <i>FGFR1<sup>+</sup>, FGFR2, FGFR3, GLI3, MEGF8, RAB23, TWIST1</i>  *einschließlich MLPA

ID	Muenke-Syndrom (MNKES)
<input type="checkbox"/> MNKES-1	<b>Gen-Panel<sup>[2]</sup></b> der folgenden <b>7 krankheitsassoziierten Gene</b> (21,8 kb): <i>FGFR3, FGFR1<sup>+</sup>, FGFR2, GLI3, MEGF8, RAB23, TWIST1</i>  *einschließlich MLPA

ID	Pfeiffer-Syndrom (PS)
<input type="checkbox"/> PS-1	<b>Gen-Panel<sup>[2]</sup></b> der folgenden <b>7 krankheitsassoziierten Gene</b> (21,8 kb): <i>FGFR1<sup>+</sup>, FGFR2, FGFR3, GLI3, MEGF8, RAB23, TWIST1</i>  *einschließlich MLPA

ID	Saethre-Chatzen-Syndrom (SCS)
<input type="checkbox"/> SCS-1	<b>Gen-Panel<sup>[2]</sup></b> der folgenden <b>7 krankheitsassoziierten Gene</b> (21,8 kb): <i>FGFR2, TWIST1, FGFR1<sup>+</sup>, FGFR3, GLI3, MEGF8, RAB23</i>  *einschließlich MLPA

<sup>[1]</sup> Untersuchung mittels Sanger-Sequenzierung  
<sup>[2]</sup> entsprechend EBM Kapitel 11.4.3, GOP 11512 und 11513  
<sup>[3]</sup> entsprechend EBM Kapitel 11.4.3, GOP 11514

Patientenname: \_\_\_\_\_ Geb.-Dat.: \_\_\_\_\_

Bitte die gewünschte Untersuchung ankreuzen

<input type="checkbox"/>	<b>ID</b>	<b>Cole-Carpenter Syndrom (CLCRP)</b>
<input type="checkbox"/>	CLCRP-1	<b>Gen-Panel</b> <sup>[2]</sup> der folgenden <b>2 krankheitsassoziierten Gene</b> (4,6 kb): <i>P4HB, SEC24D</i>
<input type="checkbox"/>	<b>ID</b>	<b>Cranioektodermale Dysplasien (CED)</b>
<input type="checkbox"/>	CED-1	<b>Gen-Panel</b> <sup>[2]</sup> der folgenden <b>4 krankheitsassoziierten Gene</b> (12,1 kb): <i>IFT122, IFT43, WDR35, WDR19</i>
<input type="checkbox"/>	<b>ID</b>	<b>Frontonasale Dysplasien (FND)</b>
<input type="checkbox"/>	FND-1	<b>Gen-Panel</b> <sup>[2]</sup> der folgenden <b>5 krankheitsassoziierten Gene</b> (8,3 kb): <i>ALX1, ALX3, ALX4, EFNB1, MN1</i>
<input type="checkbox"/>	<b>Einzelgendiagnostik / individuelles Panel</b>	
	Bitte kontaktieren Sie uns, damit wir gemeinsam die von Ihnen gewünschte Einzelgendiagnostik bzw. das individuelle Panel besprechen können. <u>Kontakt:</u> Prof. Dr. rer. nat. Peter Burfeind, Tel.: 0551 / 39-67595, E-Mail: pburfei@gwdg.de	

<sup>[1]</sup> Untersuchung mittels Sanger-Sequenzierung

<sup>[2]</sup> entsprechend EBM Kapitel 11.4.3, GOP 11512 und 11513

<sup>[3]</sup> entsprechend EBM Kapitel 11.4.3, GOP 11514

Patientenname: \_\_\_\_\_ Geb.-Dat.: \_\_\_\_\_

### Übertragung der Vollmacht

Sehr geehrte Patientin,  
sehr geehrter Patient,

Eine Diagnostik von mehr als 25 Kilobasen (kb) DNA-Sequenz bzw. ausgewählter Leistungen aus Kapitel 11.4.2 des EBM ist erst nach Genehmigung durch die Krankenkasse möglich. Die 25-kb-Grenze wird ggf. schon bei Untersuchung nur eines einzelnen Gens bzw. der Untersuchung einiger weniger Gene erreicht bzw. überschritten. Ebenso kann es sein, dass bei einer Diagnostik von weniger als 25 kb DNA-Sequenz (sog. „kleines Panel“) keine ursächlichen Veränderungen identifiziert wurden, sodass eine Untersuchung weiterer DNA-Sequenzen notwendig wird (> 25 kb; sog. „großes Panel“). Diese weiterführende Analyse mit Hilfe eines „großen Panels“ ist jedoch seit dem 01.01.2017 laut EBM erst 4 Quartale (=12 Monate) nach der Diagnostik mit einem „kleinen Panel“ möglich und ebenfalls genehmigungspflichtig durch die Krankenkassen. Sofern Sie uns eine Vollmacht erteilen, übernehmen wir gerne die dafür erforderliche Antragstellung bei Ihrer zuständigen Krankenkasse.

### Vollmacht

Ich beauftrage hiermit das Medizinische Versorgungszentrum der Universitätsmedizin Göttingen, Bereich Humangenetik zu einer weiterführenden molekulargenetischen Diagnostik im Rahmen der in der zugehörigen Patienteneinwilligung genannten Indikation, sofern die antragsfreie molekulargenetische Untersuchung (< 25 kb) nicht zu einer Klärung der Ursache der Erkrankung geführt hat.

Ich erteile hiermit verbindlich dem Medizinischen Versorgungszentrum der Universitätsmedizin Göttingen, Bereich Humangenetik die Vollmacht, in dieser Angelegenheit und zu diesem Zwecke eine Genehmigung zur Übernahme der notwendigen Kosten gemäß EBM mit Begründung der medizinischen Notwendigkeit bei meiner zuständigen Krankenkasse zu beantragen. Zu diesem Zwecke entbinde ich die Ärzte des Medizinischen Versorgungszentrums der Universitätsmedizin Göttingen, Bereich Humangenetik von der Schweigepflicht in o.g. Angelegenheit gegenüber meiner zuständigen Krankenkasse.

\_\_\_\_\_  
(Datum)

\_\_\_\_\_  
(Name Patient(in) bzw. Sorgebevollmächtigte(r) - in Druckbuchstaben)

\_\_\_\_\_  
(Unterschrift Patient(in) bzw. Sorgebevollmächtigte(r))